

## Jednodniowy kurs praktyczny z serii:

Narzędzia i techniki w  
analizie danych  
wysokoprzepustowych  
na temat:

RNA-Seq: strategie  
przetwarzania i  
interpretacji danych

Jeśli poszukujesz wiedzy oraz bezpłatnego dostępu do zasobów umożliwiających samodzielne wykonywanie analiz danych z RNA-seq, **to szkolenie jest dla Ciebie!**

- Najefektywniejsze techniki i narzędzia służące do przetwarzania i analizy danych RNA-Seq stosowane w Zakładzie Biologii Obliczeniowej UAM ([combio.pl](http://combio.pl))
- Dostęp do komputerów dużej mocy udostępnianych w ramach projektu PL-Grid NG ([plgrid.pl](http://plgrid.pl))
- Środowiska pracy Galaxy ([usegalaxy.org](http://usegalaxy.org)) oraz Chipster ([chipster.csc.fi](http://chipster.csc.fi))
- umożliwiające proste i efektywne przeprowadzanie zaawansowanych analiz danych biologicznych na zasobach obliczeniowych PLGrid.

Terminy: **14.09.2015** **28.09.2015**

Miejsce: **Collegium Biologicum UAM**

Udział w kursie jest. **BEZPŁATNY**

Rejestracja: **[combio.pl/hands\\_on](http://combio.pl/hands_on)**